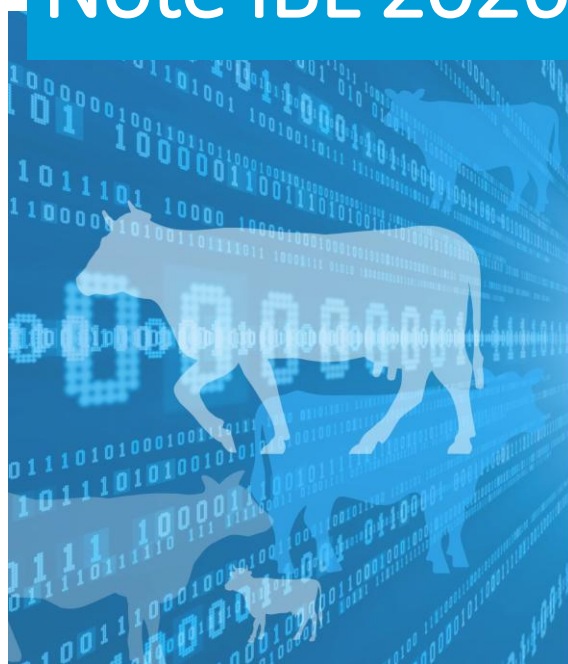


Note IBL 2026-1

Note d'information aux organisations génétiques
des bovins laitiers – 03 mars 2026



**Indexation
bovine
laitière**



INSTITUT DE
L'ELEVAGE **idele**



GenEval
Évaluation génétique des animaux d'élevage



LE CHANGEMENT DE BASE D'INDEXATION DE 2026

Depuis 2010 les évaluations génétiques sont pour la plupart exprimées en écart à un groupe de femelles. Pour les huit races conduisant des programmes de sélection, la population de référence de 2026 comprend les vaches filiales nées de 2018 à 2020. Le décalage d'une année de naissance entraîne des variations d'index, identiques pour les mâles et les femelles. Une variation négative correspond à une hausse du niveau génétique de la population de référence, ce qui se traduit par une baisse apparente des index publiés.

Depuis 2015 les index des facilités de naissance et de vêlage d'une part, des vitalités des veaux à la naissance et au vêlage d'autre part, sont exprimés en base fixe. Cette base fixe comprend les taureaux d'IA nés entre 2002 et 2005 pour les trois grandes races, et entre 2000 et 2005 pour les quatre races régionales.

Avec le Single-Step, une plus forte variabilité des index est observée ainsi qu'un plus fort progrès génétique. Ces changements se répercutent aussi sur le changement de base qui est plus important que celui avec la méthode polygénique.

SOMMAIRE

- 1- Principes de l'évaluation
- 2- Publication des résultats



EVOLUTION DES INDEX AVEC LE CHANGEMENT DE BASE DE 2026

RACE	AB	PR	BR	TA	SF	MO	NO	PH	De PH à PR
Cel	-0.03	-0.14	0.03	-0.04	-0.05	-0.07	-0.13	-0.15	0.11
Macl	-0.00	-0.1	0.03	-0.02	0.01	-0.02	-0.07	-0.11	-0.21
Stma	-0.03	-0.19	-0.01	-0.06	-0.06	-0.08	-0.15	-0.16	-0.25
Fer	0.03	-0.15	0.00	-0.04	-0.02	-0.02	-0.01	-0.12	-0.47
Ferg	0.00	-0.09	-0.01	-0.00	-0.01	-0.03	-0.02	-0.05	-0.02
Ivia1	0.03	-0.12	0.01	-0.03	-0.01	0.03	0.03	-0.06	-0.52
Repro	0.05	-0.18	-0.00	-0.05	-0.02	-0.01	-0.01	-0.12	-0.49
Lgf	-0.01	-0.13	-0.06	-0.08	-0.07	-0.06	-0.08	-0.09	-0.12
SYBO	/	/	/	/	/	/	-0.06	/	/
Lait	-43	-62	-51	-26	-95	-103	-91	-62	845
Mg	-2.5	-4.3	-3.2	-1.9	-3.3	-4.6	-4.2	-4.5	12.8
Mp	-1.9	-2.9	-2.7	-1.6	-3.5	-4.3	-3.4	-3.1	14.1
Tb	-0.11	-0.23	-0.16	-0.10	0.15	-0.06	-0.06	-0.26	-2.75
Tp	-0.05	-0.16	-0.16	-0.08	-0.03	-0.14	-0.09	-0.18	-1.54
INEL	-2.4	-4.0	-3.5	-2.0	-4.0	-5.3	-4.3	-4.3	13.4

Traite	-0.05	-0.00	-0.05	-1.09	-0.16	-0.99	-0.01	-0.00	/
Corps	-0.27	-0.07	-0.10	-0.21	-0.32	-1.41	-0.10	-0.10	/
Aplombs	-0.43	-0.13	-0.11	-0.38	-0.78	-1.51	-0.10	-0.08	/
Mamelle	-1.25	-0.19	-0.13	-1.61	-1.26	-2.42	-0.13	-0.21	/
Musculature	0.25	/	/	0.36	-0.82	0.28	-0.04	/	/
Morphologie	-1.95	-0.23	-0.18	-1.35	-1.53	-2.45	-0.16	-0.23	/
ISU APPROCHE	-2.4	-9.5	-4.9	-3.5	-4.9	-6.6	-6.0	-8.5	/

On rappelle que les index morphologiques des races AB, TA, SF et MO sont centrés sur 100 avec une variabilité génétique de 12 points ; ceux des autres races sont centrés sur 0 avec une variabilité génétique de 1 point. L'effet du changement de base pour chaque caractère morphologique figure en annexe.

Contacts : maelle.rocland@idele.fr ; manon.guillerm@idele.fr ; jessica.magnier@geneval.fr

Annexe : Evolutions des index morphologiques pour le changement de base 2026

ABONDANCE

EFF	MO	VT	TE	HS	LP	PP	PF	LB	LT	IB	AJ	ET	OJ	VO	EQ	AA	AH	AL	SU	EA	OR	LO	FO	CO	BA	AP	MA	TR	AB
9756	-0.95	-0.05	-0.23	-0.35	-0.10	0.08	-0.45	0.18	-0.28	0.36	0.31	0.39	-0.11	-0.12	-0.58	-0.43	-0.67	-0.69	-1.01	0.36	0.31	0.62	1.20	-0.27	-0.10	-0.43	-1.25	-0.40	0.25

PIE-ROUGE

EFF	MO	AH	AA	TE	LP	AC	LO	PC	IS	PI	MR	TR	PS	PJ	EQ	EA	IA	LT	HS	IB	AJ	MA	CC	ME	EC
3243	-0.23	-0.14	-0.13	-0.04	-0.11	-0.10	-0.13	-0.03	-0.04	-0.09	-0.10	-0.00	-0.07	-0.18	-0.08	-0.11	-0.04	-0.03	-0.06	-0.01	0.09	-0.19	-0.07	-0.13	-0.07

BRUNE

EFF	MO	TR	PJ	LI	AH	AL	AA	EQ	LT	EA	IM	OR	HS	PF	LD	IB	LH	EJ	AJ	AP	ET	MA	CO	BA	ME	TY	LP	IS	PT	FA	DT	EC	TE
8225	-0.18	-0.05	-0.14	-0.04	-0.07	-0.03	-0.06	-0.11	0.02	-0.03	-0.03	-0.02	-0.11	-0.09	-0.07	-0.05	-0.06	-0.03	0.02	-0.11	-0.12	-0.13	-0.10	-0.09	-0.15	-0.09	-0.07	0.02	-0.07	-0.11	-0.01	0.04	-0.07

TARENTEAISE

EFF	MO	PP	EA	VT	TE	HS	LP	PF	LB	LH	LT	IB	AJ	ET	OJ	VO	EQ	AA	AH	AL	SU	OR	LO	FO	CO	BA	AP	MA	TR	AB
5241	-1.35	-0.25	-1.57	-1.09	-0.39	0.07	0.19	-0.43	-0.07	0.12	0.10	-0.96	-0.19	0.13	-0.51	-0.96	-2.17	-0.21	0.01	-0.87	-0.43	-1.33	-1.02	-1.44	-0.21	-0.52	-0.38	-1.61	-1.46	0.36

SIMMENTAL

EFF	MO	VT	TE	IB	AJ	AA	EQ	PJ	OR	EA	LI	LO	FO	HS	LP	LB	LH	LT	DV	MU	MA	PC	LC	EJ	PA	ET	AP	FA	LR	TS
8174	-1.53	-0.16	-0.98	-0.28	0.32	-0.48	-1.64	-0.73	-0.81	-0.30	-0.49	0.51	0.53	-0.25	-1.11	-0.44	-0.70	-0.68	-0.32	-0.82	-1.26	-0.51	-0.34	0.46	-0.68	-1.20	-0.78	-0.94	-0.41	-0.10

MONTBELIARDE

EFF	MO	LH	TE	VT	TA	LP	PP	PF	CO	LB	LT	IB	BA	AJ	PA	AP	AA	AH	AL	DE	EQ	SU	EA	OR	MA	LO	FO	TR	GA	CS	VB	EJ	MR	ER	FT
133677	-2.45	-0.89	-0.92	-0.99	-1.71	-0.60	-1.16	-1.30	-1.41	-1.45	-1.06	-0.07	-0.96	0.38	-0.00	-1.51	-2.27	-0.53	-1.43	-1.46	-3.12	-0.87	-2.19	-1.32	-2.42	-0.88	0.82	-0.66	-0.14	0.60	0.28	0.40	-1.25	0.88	-1.10

NORMANDE

EFF	MO	IB	AJ	PJ	EA	TR	HS	LP	PP	IS	AP	AA	EQ	AR	OR	LI	MA	FT	MU	ET	RD	QA	PI	PA	LO	TE
56298	-0.16	-0.02	-0.09	-0.13	-0.09	-0.01	-0.09	-0.04	-0.06	-0.04	-0.10	-0.12	-0.12	-0.10	-0.11	-0.08	-0.13	-0.06	-0.04	-0.02	-0.02	-0.04	-0.06	-0.09	-0.10	-0.04

PRIM'HOLSTEIN

EFF	MO	AH	AA	TE	LP	AC	LO	PC	IS	PI	MR	TR	PS	PJ	EQ	EA	IA	LT	HS	IB	AJ	MA	CC	ME	EC
318132	-0.23	-0.19	-0.19	-0.06	-0.08	-0.10	-0.09	-0.05	-0.13	-0.01	-0.10	-0.00	-0.03	-0.26	-0.08	-0.02	-0.04	0.03	-0.17	-0.02	0.07	-0.21	-0.10	-0.08	0.02

PRIM'HOLSTEIN / PIE ROUGE

EFF	MO	AH	AA	TE	LP	AC	LO	PC	IS	PI	MR	TR	PS	PJ	EQ	EA	IA	LT	HS	IB	AJ	MA	CC	ME	EC
3243		1.07	0.35	0.01	0.69	0.67	0.12	1.07	0.75	0.33	0.24	0.13	0.81	0.66	0.29	0.33	0.51	-0.01	1.17	-0.01	-0.27				-0.68